

Curriculum Vitae Europass

Curriculum reso sotto forma di dichiarazione sostitutiva di atto di notorietà, ai sensi degli artt. 46 e 47 del D.P.R. 445/2000

Consapevole, secondo quanto prescritto degli articoli 75 e 76 del D.P.R. 445/2000, della responsabilità penale cui può andare incontro in caso di dichiarazione mendace, falsità negli atti ed uso di atti falsi, il sottoscritto dichiara sotto la propria responsabilità quanto segue:

Informazioni personali

Nome(i) / Cognome(i)

Elena Tenedini

Indirizzo(i)

via Martiri della Libertà, 30; 41051, Castelnovo Rangone (MO), Italia.

Telefono(i)

Residenza: 059537963

Cellulare: 3474001351

E-mail

tenedini.elena@gmail.com

Cittadinanza

Italiana

Luogo e Data di nascita

Carpi (Modena) 08/05/1974

Sesso

Femminile

Stato Civile

Coniugata, due figli. Cognome del coniuge: Rizza

Esperienza professionale

Date

16/02/2020 – 15/02/2021 (12 mesi)

Posizione ricoperta

Incarico libero professionale

Principali attività e responsabilità

Attività clinico-assistenziale inerente il progetto "Consolidamento dell'attività diagnostica del Laboratorio di Genomica Clinica dell'Azienda Ospedaliero-Universitaria di Modena" presso la struttura semplice dipartimentale di Ematologia Diagnostica Azienda Ospedaliero-Universitaria di Modena – Via del Pozzo, 71 - MODENA
Biologia Molecolare Clinica/ Diagnostica Molecolare/Genomica

Date

16/02/2019 – 15/02/2020 (12 mesi)

Posizione ricoperta

Incarico libero professionale

Principali attività e responsabilità

Attività clinico-assistenziale inerente il progetto "Sviluppo di nuovi approcci diagnostici in next generation sequencing per l'attività diagnostica del laboratorio di genomica clinica dell'Azienda Ospedaliero-Universitaria di Modena" presso la struttura semplice dipartimentale di Ematologia Diagnostica

Nome e indirizzo del datore di lavoro

Azienda Ospedaliero-Universitaria di Modena – Via del Pozzo, 71 - MODENA

Settore

Biologia Molecolare Clinica/ Diagnostica Molecolare/Genomica

Date

16/02/2018 – 15/02/2019 (12 mesi)

Posizione ricoperta

Incarico libero professionale

Principali attività e responsabilità

Attività clinico-assistenziale inerente il progetto "Consolidamento dell'attività del laboratorio di genomica clinica dell'Azienda Ospedaliero Universitaria Policlinico di Modena" presso la struttura complessa di Laboratorio di Analisi Chimico Cliniche

Nome e indirizzo del datore di lavoro

Azienda Ospedaliero-Universitaria di Modena – Via del Pozzo, 71 - MODENA

Settore

Biologia Molecolare Clinica/ Diagnostica Molecolare/Genomica

Date	16/02/2017 – 15/02/2018 (12 mesi)
Posizione ricoperta	Incarico libero professionale
Principali attività e responsabilità	Attività clinico-assistenziale inerente il progetto "Realizzazione di un Laboratorio di Genomica Clinica per la centralizzazione dei servizi assistenziali di diagnostica genomica" presso la struttura complessa di Laboratorio di Analisi Chimico Cliniche
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Azienda Ospedaliero-Universitaria di Modena – Via del Pozzo, 71 - MODENA
Settore	Biologia Molecolare Clinica/ Diagnostica Molecolare/Genomica
Date	01/06/2016 – 15/02/2017 (8,5 mesi)
Posizione ricoperta	Assegnista di ricerca
Principali attività e responsabilità	Argomento della Ricerca: "Ottimizzazione dello studio genomico nella diagnostica molecolare dell'Epidermolisi Bollosa" come parte del progetto "Hologene7 come modello di sviluppo di una terapia avanzata a base di cellule staminali geneticamente corrette" UNI (PG/2015/732397)
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università degli Studi di MODENA e REGGIO EMILIA - Via Università, 4 - MODENA; Dip. L.240/2010 Scienze mediche e chirurgiche materno-infantili e dell'adulto; Centro Interdipartimentale di Ricerche Genomiche
Settore	Biologia Molecolare Clinica/ Diagnostica Molecolare/Genomica
Date	16/01/2016 - 31/05/2016 (4,5mesi)
Posizione ricoperta	Assegnista di ricerca
Principali attività e responsabilità	Argomento della ricerca: "Meccanismi molecolari che regolano l'omeostasi della risposta dei linfociti T"
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università degli Studi di MODENA e REGGIO EMILIA - Via Università, 4 - MODENA; Struttura Dip. L.240/2010 Scienze mediche e chirurgiche materno-infantili e dell'adulto; Centro Interdipartimentale di Ricerche Genomiche
Settore	Biologia Molecolare Clinica/Genomica
Date	16/01/2014 - 15/01/2016 (24 mesi)
Posizione ricoperta	Assegnista di ricerca;
Principali attività e responsabilità	Argomento della ricerca: "Meccanismi molecolari che regolano l'omeostasi della risposta dei linfociti T"
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università degli Studi di MODENA e REGGIO EMILIA - Via Università, 4 - MODENA; Struttura Dip. L.240/2010 Scienze della Vita; Centro Interdipartimentale di Ricerche Genomiche
Settore	Biologia Molecolare Clinica/Genomica
Date	30/12/2010 - 29/12/2013 (36 mesi)
Posizione ricoperta e Settore	Ricercatore a Tempo Determinato (art.1 comma 14 L. 230/05); SSD BIO/12 Biochimica Clinica e Biologia Molecolare Clinica
Principali attività e responsabilità	Argomento della Ricerca: "Messa a punto di analisi "high throughput" del trascrittoma basate sul sequenziamento massivamente parallelo in associazione a tecniche già consolidate di studio omico del DNA e RNA e alla regolazione dei miRNA nelle diverse cellule staminali epiteliali. Queste analisi consentiranno lo studio della biologia delle cellule staminali epiteliali adulte attraverso la correlazione di potenziale proliferativo, self-renewal e capacità rigenerativa in vivo con le modulazioni del profilo trascrizionale e post-trascrizionale."
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università degli Studi di MODENA e REGGIO EMILIA - Via Università, 4 - MODENA Dip. L.240/2010 Scienze della Vita; Centro Intedipartimentale di Cellule Staminali e Medicina Rigenerativa
Date	01/08/2010 - 30/09/2010 (2 mesi)
Posizione ricoperta	Collaboratore coordinato continuativo
Principali attività e responsabilità	Argomento della Ricerca: "Analisi ed integrazione di profili di espressione di miRNA"
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università degli Studi di MODENA e REGGIO EMILIA - Via Università, 4 - MODENA Dip. L.240/2010 Scienze della vita; Centro Interdipartimentale di Cellule Staminali e Medicina Rigenerativa
Settore	Trascrittomica/Biologia Molecolare
Date	05/12/2008 - 04/06/2010 (18 mesi)
Posizione ricoperta	Collaboratore coordinato continuativo
Principali attività e responsabilità	Argomento della Ricerca: "Studio dell'espressione dei microRNA come modulatori del differenziamento mieloide fisiologico"
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università degli Studi di MODENA e REGGIO EMILIA - Via Università, 4 - MODENA Dip. SCIENZE BIOMEDICHE

Settore	Trascrittomica/Biologia Molecolare
Date	13/09/2007 - 12/10/2007 (1mese)
Posizione ricoperta	Congedo parentale (D.Lgs. 26/03/2001, n. 151 D.Lgs. 119/2011)
Date	13/04/2007 - 12/09/2007 (5mesi)
Posizione ricoperta	Congedo obbligatorio per maternità (L. 1204/1971)
Date	30/10/2006 - 10/12/2006
Posizione ricoperta	Visiting Research Fellow (1 mese)
Principali attività e responsabilità	Argomento della Ricerca: "DNA genotyping with SNPs microarrays"
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Research Centre for Medical Oncology, Institute of Cancer, School of Medicine and Dentistry, Queen Mary, University of London, London, UK
Settore	Biologia Molecolare Clinica/ Diagnostica Molecolare/Genomica
Date	01/06/2006 - 30/09/2008 (24 mesi, escluso il congedo obbligatorio per maternità)
Posizione ricoperta	Assegnista di ricerca
Principali attività e responsabilità	Argomento della Ricerca: "Fenotipizzazione molecolare delle cellule staminali emopoietiche e studio dei meccanismi di self-renewal - progetto obiettivo 2GENTECH"
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università degli Studi di FERRARA - Ex Convento di S.Lucia- via Ariosto 35 - FERRARA; Dip. MEDICINA SPERIMENTALE E DIAGNOSTICA
Settore	Biologia Molecolare Clinica /Trascrittomica
Date	19/02/2005 - 18/07/2005
Posizione ricoperta	Congedo per maternità (L. 1204/1971)
Date	01/01/2004 - 31/05/2006 (24 mesi, escluso il congedo obbligatorio per maternità)
Posizione ricoperta	Assegnista di ricerca
Principali attività e responsabilità	Argomento della Ricerca: "Studio delle alterazioni del programma genetico in blasti di LMA"
Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università degli Studi di MODENA e REGGIO EMILIA - Via Università, 4 - MODENA Dip. SCIENZE BIOMEDICHE
Settore	Biologia Molecolare Clinica/Trascrittomica
Istruzione, Formazione e Abilitazioni	
Date	Anno Accademico 2016-2017, Anno Accademico 2017-2018, Anno Accademico 2018-2019
Titolo della qualifica rilasciata	Specialista in formazione in Genetica Medica
Nome e tipo d'organizzazione erogatrice dell'istruzione e formazione	Scuola di Specializzazione in Genetica Medica, Università degli Studi di Ferrara
Livello nella classificazione nazionale o internazionale	Scuola di specializzazione post-laurea di area sanitaria
Date	13/09/2019-13/09/2025
Titolo della qualifica rilasciata	Abilitazione Scientifica Nazionale, BANDO D.D. 1532/2016, 05/E3, Biochimica Clinica e Biologia Molecolare Clinica, II Fascia
Nome e tipo d'organizzazione erogatrice dell'istruzione e formazione	Ministero dell'Istruzione dell'Università e della Ricerca
Livello nella classificazione nazionale o internazionale	Abilitazione scientifica per l'accesso al reclutamento di professore universitario di II fascia

Date	04/04/2017-04/04/2023
Titolo della qualifica rilasciata	Abilitazione Scientifica Nazionale, BANDO D.D. 1532/2016 05/F1, Biologia Applicata, II Fascia
Nome e tipo d'organizzazione erogatrice dell'istruzione e formazione	Ministero dell'Istruzione dell'Università e della Ricerca
Livello nella classificazione nazionale o internazionale	Abilitazione scientifica per l'accesso al reclutamento di professore universitario di II fascia
Date	Anno Accademico 2016/2017, Anno Accademico 2017/2018,
Titolo della qualifica rilasciata	Culture della materia, SSD BIO12, Biochimica Clinica e Biologia Molecolare Clinica
Nome e tipo d'organizzazione erogatrice dell'istruzione e formazione	Università degli Studi di Modena e Reggio Emilia, CdL in Odontoiatria e Protesi dentaria
Date	01/11/1999 - 31/10/2003; titolo conseguito in data 13/02/2004
Titolo della qualifica rilasciata	Dottore di Ricerca in Ematologia Sperimentale
Argomento e Titolo della Tesi	"Profili di espressione genica e capacità differenziativa di linee cellulari di leucemia Mieloide Acuta"
Nome e tipo d'organizzazione erogatrice dell'istruzione e formazione	Università degli Studi di MODENA e REGGIO EMILIA - Via Università', 4 - MODENA; Dip. SCIENZE BIOMEDICHE
Livello nella classificazione nazionale	Dottorato di Ricerca quadriennale
Date	II Sessione Anno 2000
Titolo della qualifica rilasciata	Abilitazione all'esercizio della professione di Biologo, con votazione complessiva di 148 su 150
Nome e tipo d'organizzazione erogatrice dell'istruzione e formazione	Università degli Studi di MODENA e REGGIO EMILIA - Via Università', 4 – MODENA
Livello nella classificazione nazionale o internazionale	Abilitazione all'esercizio della professione
Date	13/07/1999
Titolo della qualifica rilasciata	Diploma di Laurea in Scienze Biologiche (ante DM 509/99) con indirizzo FISIOPATOLOGICO con votazione di 110/110 e lode
Nome e tipo d'organizzazione erogatrice dell'istruzione e formazione	Università degli Studi di MODENA e REGGIO EMILIA - Via Università', 4 – MODENA
Livello nella classificazione nazionale o internazionale	Laurea quinquennale (ante DM 509/99)
Albo professionale e Associazioni	Iscritta all'Ordine Nazionale dei Biologi dal 19 Ottobre 2016, sezione A, numero di iscrizione AA_076598 Iscritta alla Società Italiana di Biochimica Clinica e Biologia Molecolare Clinica come Socio Ordinario non Strutturato Iscritta alla Società Italiana di Genetica Umana, Membro del Gruppo di Lavoro SIGU di Genetica Molecolare Iscritta alla ARTeD - Associazione dei Ricercatori a Tempo Determinato
Capacità e competenze personali	
Madrelingua	Italiano
Altra Lingua	Inglese
Autovalutazione	

Inglese Livello europeo (*)
(*) [Quadro comune europeo di riferimento per le lingue](#)

Comprensione: Ascolto C1; Lettura C2
Parlato: Interazione orale C1; Produzione orale C2
Scritto: C1

Patente

Patente di guida di Tipo B, automunita

**PARTECIPAZIONE a CORSI per
l'ACQUISIZIONE di
COMPETENZE nell'uso
delle piattaforme tecnologiche di
"Omica" con particolare
riferimento a piattaforme di
trascrittomica, genotipizzazione e
Next Generation Sequencing**

- "Genome Sequencer FLX System" Roche, Università di Modena e Reggio Emilia, Modena, 4-8 ottobre 2010
- "Corso Base sullo strumento LightCycler 480", Modena, 20 Giugno 2013
- "Roche NimbleGen Sequence Capture Microarray Training", Modena, 29 Ottobre 2010
- "Ion Torrent PGM system operational training", Modena, 23-25 Ottobre 2011
- "Training in Library preparation and capture protocol using the Hereditary Cancer Solution kit by Sophia", St.Sulpice, 18-19 Maggio 2016
- "Training for MiSeq System provided by Illumina, Inc.", Modena, 23-24 Giugno 2016
- "Ion Chef System Workflow training", Modena, 29-30 Agosto 2016
- "3500xl Dx, sequencing and instrument operation course", Modena, 7 Settembre 2017
- "Ion Chef System + S5 Workflow training", Modena 7-8 Settembre 2017
- QuantStudio™ 3D Digital PCR training, 25 Ottobre 2018
- QuantStudio™ 5 Real-Time PCR System training, Modena, 29 Novembre 2018

**PARTECIPAZIONE a CORSI per
l'ACQUISIZIONE di
COMPETENZE nell'ANALISI DEI
DATI di "Omica" con particolare
riferimento ai dati di
trascrittomica**

- "GeneChip Expression data Analysis and Interpretation Basic Skills", Barcellona, Spagna, 21 Maggio 2002
- "Bioinformatics for the management, analysis and interpretation of microarray data", Casalecchio di Reno, 27-28 Novembre 2003
- "Corso pratico sull'analisi dei dati da piattaforme microarray", Dipartimento dei Processi Chimici dell'Ingegneria, Università degli Studi di Padova, Padova, 16-20 Febbraio 2004
- "Corso introduttivo di R", Dipartimento di Scienze Biomediche, Università di Modena e Reggio Emilia, Modena, 28-30 Luglio 2008
- "Partek Genomic Suite Training Course", Università cattolica del sacro Cuore, Roma, 23-24 Febbraio 2009
- "Ion Reporter introductory training", Modena 8 Novembre 2017
- "Bioinformatic for Ion", Modena, 6 Febbraio 2018

**COMPETENZE nell'ambito della
Biologia Molecolare Clinica,
Sequenziamento del DNA e della
Diagnostica Molecolare**

Competenze in Genomica Massiva e Next Generation Sequencing

- Tecniche di sequenziamento Sanger con piattaforma 3500XL Dx Genetic Analyzer (Thermo Scientific)
- Tecniche di analisi su Microarrays per Array-Comparative Genomic Hybridization, Single Nucleotide Polymorphisms e Copy Number Variations
- Tecniche di sequenziamento in Next Generation Sequencing (Whole Genome, Ampli-seq, Targeted sequencing) con piattaforme:
GS FLX+ 454 (Roche),
Ion Torrent Personal Genome machine (ThermoScientific),
Ion Torrent S5 (ThermoScientific)
MiSeqDX (Illumina)
- Tecniche di DNA Sequence Capture con tecnologia Nimblegen, Sophia Genetics, Agilent, Illumina, ai fini di sequenziamento in Next Generation Sequencing
- Valutazione del gene expression profiling cellulare mediante analisi su Microarrays e Real Time PCR
- Valutazione di Gene expression profiling mediante MicroFluidicsCards in Real Time PCR
- Valutazione del microRNA expression profiling mediante analisi su Microarrays e Real Time PCR
- Automazione dei protocolli di Sequence Capture (Hereditary Cancer Solution) con tecnologia Sophia Genetics, ai fini del sequenziamento in Next Generation Sequencing su piattaforma Illumina

Competenze in Biologia Molecolare Clinica

- Purificazione e mantenimento in coltura di cellule staminali emopoietiche e mieloblasti primari umani
- Mantenimento in coltura di linee cellulari stabilizzate
- Saggi di differenziamento di cellule staminali emopoietiche in terreno semisolido (metilcellulosa e collagene) ed in coltura liquida
- Analisi citofluorimetriche per la valutazione del ciclo cellulare, dell'espressione di markers di superficie e/o intracellulari
- Analisi citofluorimetriche e molecolari per la valutazione del processo cellulare apoptotico
- Analisi morfologica di preparati istologici
- Purificazione di acidi nucleici e proteine da sangue intero, campioni cellulari, campioni tissutali, campioni inclusi in paraffina
- Valutazione qualitativa e quantitativa di acidi nucleici e di proteine mediante tecniche spettrofotometriche e fluorimetriche
- Tecniche di PCR e Real Time PCR (Absolute, Relative)
- Tecniche di High Resolution Melting (HRM) per lo studio di genotipi specifici
- Tecniche di Real time PCR per la discriminazione allelica e/o PCR allele specifica per lo studio di genotipi specifici
- Analisi di Western Blotting e Northern Blotting
- Silenziamento genico mediante RNA Interference
- Gain e loss-of function di microRNAs mediante trasfezione di molecole precursore o inibitore
- Tecniche di trasfezione cellulare
- Saggi reporter di luciferasi
- Metodica di Multiplex Ligation-dependent Probe Amplification (MLPA)
- Metodica di Digital PCR

**Competenze acquisite
nell'ambito dell'ANALISI di Next
Generation Sequencing e Analisi
di Dati Genetici/Genomici**

Conoscenza approfondita dei seguenti programmi di gestione ed analisi di dati genomici massivi:

- Affymetrix Command Console
- Affymetrix Expression Console
- Affymetrix Transcriptome Analysis Console (TAC)
- Affymetrix Chromosome Analysis Suite (ChAS)
- DChip
- GeneSpring
- Partek Genomic Suite
- Ion Torrent Suite: Ion Torrent Browser, Ion Torrent Variant Caller, Ion Reporter
- Illumina Suite: Illumina Experiment Manager, Design Studio, MiSeq Control Software, MiSeq Reporter
- Ingenuity Pathway Analysis (IPA)
- Ingenuity Variant Analysis
- UCSC Genome Browser
- Integrated Genome Browser (IGB)
- Integrative Genomics Viewer (IGV)
- Sophia Genetics Data Driven Medicine (Sophia DDM)

**Competenze acquisite
nell'ambito AUTOMAZIONE di
laboratorio e di SOFTWARE
GESTIONALI di laboratorio**

Automazione di laboratorio:

- Messa a punto della procedura automatizzata del protocollo di lavoro "Hereditary Cancer Solution di SOPHiA GENETICS" su piattaforma di liquid handling Hamilton STARlet per il sequenziamento massivamente parallelo su Piattaforma Illumina di 27 geni cancro-relati. **Realizzazione dell'Application Note: "Tagliafico E, Tenedini E, Pezzuto I, Seffner A, Celestini F, Sebastiani F. Automation of the Hereditary Cancer Solution by SOPHiA GENETICS on Hamilton STARlet. Hamilton Robotics Diagnostics Application Note. Lit. No. AN-1710-01 — 10/2017"**
- Estensione dell'utilizzo di tale procedura automatizzata anche all'esecuzione del protocollo di lavoro "Nephropathies Solution by SOPHiA Genetics" per il sequenziamento massivamente parallelo su Piattaforma Illumina di 44 geni implicati nell'insorgenza nefropatie, quali sindromi nefrosiche, malattie del rene policistico, sindromi di Bartter, sindrome di Alport, CAKUT o tubulopatie.
- Estensione dell'utilizzo di tale procedura automatizzata anche all'esecuzione del protocollo di lavoro "Custom Solutions by SOPHiA Genetics" per il sequenziamento massivamente parallelo su Piattaforma Illumina di pannelli multigenici implicati nell'insorgenza delle Dislipidemie Ereditarie, delle malattie ereditarie Lisosomiali e dell'Epidermolisi Bollosa.

Software gestionali di laboratorio:

Conoscenza dei seguenti software gestionali di laboratorio (LIS/LIMS)

- Dedalus Noema Life, EOS
- Engeneering, OpenLis

Conoscenza dei sistemi operativi e Office Suite Word, Excel e Power Point

- Windows
- Mac OS

**COMPETENZE DIDATTICHE e DI
TUTORAGGIO delle attività di
addestramento in laboratorio
nell'ambito della
Biologia Molecolare Clinica/
Sequenziamento del DNA/
Genomica Clinica**

Attività didattiche integrative nell'ambito di corsi di studio

Anno Accademico 2010/2011, 22 Giugno 2011

Affidamento di una lezione nell'ambito del programma didattico della Scuola di Dottorato di Ricerca in Medicina Molecolare dell'Università degli Studi di Milano dal titolo Integrated analysis of microRNA and mRNA expression profiles in physiological myelopoiesis: role of hsa-miR-299-5p in CD34+ progenitor cells commitment"

Anno Accademico 2012/2013

Affidamento di numero 20 ore di Didattica Integrativa nel Corso di Medicina Genomica nel Corso di Studi magistrale in Biotecnologie Mediche e Farmaceutiche LM-9 dell'Università degli Studi di MODENA e REGGIO EMILIA (- Via Università, 4 – MODENA)

Anno Accademico 2016/2017

Affidamento di numero 6 ore di Didattica Integrativa nel Corso di Biochimica Applicata nel Corso di Laurea di Chimica e Tecnologie farmaceutiche LM-13 dell'Università degli Studi di MODENA e REGGIO EMILIA (- Via Università, 4 – MODENA)

Attività di tutoraggio nell'ambito delle attività di addestramento in laboratorio

Febbraio 2016-Settembre 2016

Tutor del Dott. Claudio Rabacchi nell'ambito dell'attività di Addestramento che ha avuto come oggetto l'acquisizione delle "Tecniche di Next Generation Sequencing", presso l'Unità Operativa GeniCLab del Centro di Ricerche Genomiche dell'Università di Modena e Reggio Emilia.

Giugno 2016-Dicembre 2016

Tutor della Dott.ssa Sandra Parenti nell'ambito dell'attività di Addestramento che ha avuto come oggetto l'acquisizione delle "Tecniche di Next Generation Sequencing", presso l'Unità Operativa GeniCLab del Centro di Ricerche Genomiche dell'Università di Modena e Reggio Emilia.

Novembre 2015-Giugno 2016

Tutor della Dott.ssa Ilaria Stanghellini nell'ambito dell'attività di Addestramento che ha avuto come oggetto l'acquisizione della metodica di "Genotipizzazione su piattaforma microarrays", presso l'Unità Operativa GeniCLab del Centro di Ricerche Genomiche dell'Università di Modena e Reggio Emilia.

**Competenze acquisite nella
GESTIONE dei CONTROLLI DI
QUALITA' delle prestazioni di
laboratorio**

Partecipazione ai seguenti programmi di valutazione esterna di qualità aventi come obiettivo la valutazione oggettiva e indipendente della qualità dei test di genetica molecolare

- I turno di Controllo Esterno di Qualità (CEQ) dei test genetici in Genetica Molecolare Oncologica dell'Istituto Superiore di Sanità (ISS), anno 2015: Tumore ereditario della mammella e dell'ovaio (geni BRCA1 e BRCA2)
- Il turno di Controllo Esterno di Qualità (CEQ) dei test genetici in Genetica Molecolare Oncologica dell'Istituto Superiore di Sanità (ISS), anno 2016, Tumore ereditario della mammella e dell'ovaio (geni BRCA1 e BRCA2)
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN) Breast/Ovarian Cancer, familial 2016
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN) Breast/Ovarian Cancer, familial 2017
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN) Breast/Ovarian Cancer, familial BRCA-Genotyping 2018
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), Hypercholesterolemia, 2016
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), Hypercholesterolemia, 2017
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), Hypercholesterolemia, FH 2018
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), Ovarian Cancer, germline version 2018
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), Ovarian Cancer, somatic version 2018
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), FAP 2019
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), LYNCH, 2019
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), Hypercholesterolemia, FH 2019
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), ADPKD 2019
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), HBOC Panel Testing 2019
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), HBOC BRCA1/BRCA2 testing only 2019
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), Ovarian Cancer, germline version 2019
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), Ovarian Cancer, somatic version 2019
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), Hypercholesterolemia, FH 2020
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), HBOC Panel Testing 2020
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), HBOC BRCA1/BRCA2 testing only 2020
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), Ovarian Cancer, germline version 2020
- European Molecular Genetics Quality Network (EMQN), Ovarian Cancer, somatic version 2020

**Partecipazione ad eventi di
formazione organizzati per i
Ricercatori afferenti ai Laboratori
ACCREDITATI
ISTITUZIONALMENTE
della Rete Alta Tecnologia della
Regione Emilia-Romagna, aventi
come scopo la fornitura di nuove
competenze per lo sviluppo dei
rapporti ricerca – industria**

- Rete Alta Tecnologia dell'Emilia-Romagna: incontro con i Ricercatori", CNR Area della Ricerca, Bologna, 21 Dicembre 2011
- "Campus Cloud, Potenziare il link Ricerca-Impresa per ottenere aziende più forti", Bologna, 4 Maggio 2012
- "Corso base per i ricercatori dedicati della Rete Alta Tecnologia", Seconda Giornata, CNR Area della Ricerca, Bologna, 20 Settembre 2012
- "Corso base per i ricercatori dedicati della Rete Alta Tecnologia", Terza Giornata, CNR Area della Ricerca, Bologna, 19 Ottobre 2012
- "Campus Cloud, PT Agroalimentare – Scienze della Vita", Cesena, 22 Aprile 2013

**Competenze organizzative
acquisite nell'ambito dei
programmi di
ACCREDITAMENTO
ISTITUZIONALE**

Partecipazione ai lavori di Accreditamento Istituzionale Del Centro Interdipartimentale di Ricerche Genomiche dell'Università di Modena e Reggio Emilia presso il Laboratori della Rete Alta Tecnologia della Regione Emilia-Romagna (<http://www.retealtatecnologia.it/laboratori>) per l'offerta di servizi di Ricerca Industriale. Partecipazione al gruppo responsabile delle attività Commerciali e di Marketing ed alla Unità Operativa GenIC Lab per l'esecuzione dei Servizi conto terzi di Ricerca Industriale (come evincibile dal sito pubblico <http://www.cgr.unimore.it/cgi-bin/cgr/home.pl/View?doc=organization.html>)

**Partecipazione a corsi per
l'acquisizione di competenze
nell'ambito della SICUREZZA nei
LUOGHI di LAVORO**

- Corso Modulo 1 del progetto FADsicurMORE "Formazione generale alla sicurezza sul lavoro (8 ore)", Modena 22 Febbraio 2010
- Corso Modulo 2 del progetto FADsicurMORE "Rischi specifici: i gas, i laser, le radiazioni ionizzanti, rischio fisico e chimico (6 ore)", Modena 11 Marzo 2010
- Corso Modulo 3 del progetto FADsicurMORE "Rischi specifici: rischio biologico (2 ore)", Modena 12 Marzo 2010
- Corso di aggiornamento per il personale che ha regolarmente partecipato al FAD sicurMORE, Modena 24 Ottobre 2014
- Corso informativo in modalità FAD di 3 ore, predisposto per il lavoro in solitudine, "Gestione delle emergenze e primo soccorso", Modena 26 Gennaio 2015

**Partecipazione a CONGRESSI e
WORKSHOP nazionali ed
internazionali**

1. "La terapia cellulare: uno sguardo al futuro", Boscolo Hotel Tower, Bologna, 22 Febbraio 1999
2. Incontro Annuale dell'Associazione Italiana di Colture Cellulari, "Biotecnologie cellulari: nuove prospettive", Università degli Studi di Modena e Reggio Emilia, Facoltà di Medicina e Chirurgia, 3 Dicembre 1999
3. Convegno "Apoptosi 2000", Università degli Studi di Parma, 30 Marzo 2000
4. Il Congresso FISV, Riva del Garda (TN), 30 Settembre-4 Ottobre 2000
5. V Congresso Nazionale Biotecnologie CNB5, Auditorium Dompè, L'Aquila, 13-15 Settembre 2001
6. Microarray Meeting 2002 "New developments in mutation detection and gene expression", Consiglio Nazionale delle Ricerche, Palazzo LITA- Aula Magna-, Segrate (MI), 12 Aprile 2002
7. IV Congresso FISV, Riva del Garda (TN), 20-23 Settembre 2002
8. "Novità biologiche e cliniche nel mieloma multiplo" Centro Congressi Lingotto, Torino, 2-3 Ottobre 2003
9. seminario "From whole genome to Single Gene: Gene Expression Profiling", Aula Magna dell'Istituto Oncologico Seragnoli- Ospedale Sant'Orsola, Bologna, 30 Ottobre 2003
10. Incontro Annuale dell'Associazione Italiana di Colture Cellulari, "Biologia Postgenomica", Università degli Studi di Modena e Reggio Emilia, Facoltà di Medicina e Chirurgia, 1-2 Dicembre 2003
11. 16th Pezcoller Symposium "Stem Cells and Epigenesis in cancer", Trento, 10-12 Giugno 2004
12. Congresso Understanding the genome, "Microarray Applications from the Biology to the clinic, Sheraton Hotel Conference Center, Genova, 11-13 Novembre 2005
13. EMBO-SEMM Workshop on Homeodomain proteins, Hematopoietic Development and Leukemias, Astoria Park Hotel, Riva del Garda (TN), 23-25 marzo 2006
14. Workshop "IV Italian RNAi Symposium, New tools for siRNA and mRNA discovery", Aula magna del Centro Didattico, Facoltà di Medicina e Chirurgia, Ploclinico, Modena, 7 Giugno 2006
15. Symposium "MicroRNA in Biology and Disease", Aula Magna Complesso di Biologia "A. Vallisneri", Padova, 4 Dicembre 2007
16. "Scuola di Dottorato in Silenziamento Genico", Ferrara 18-20 Giugno 2008
17. Symposium "microRNAs in Physiology and Disease", Hotel I portici, Bologna, 1 Dicembre 2009,
18. 14th Human genome Meeting 2010- Next Generation Genomics and Medicine, Le Corum Montpellier, Francia, 18-21 Maggio 2010
19. 22nd Pezcoller Symposium "RNA Biology and Cancer", Trento, 10-12 Giugno 2010
20. The NGS Day 2011, the first UNIMORE workshop on next generation sequencing, Modena, 22 Febbraio 2011
21. SureSelect User Meeting, Milano, 15 Settembre 2011
22. Next Generation Sequencing, Nuovi traguardi per la diagnostica e le terapie personalizzate delle leucemie, Bologna, 11 Maggio 2012
23. CytoScan, Join the Resolution Revolution, Bologna, 22 Febbraio 2013
24. 3rd Annual Florence Meeting on Myeloproliferative Neoplasms, Firenze, 16 Marzo 2013

25. Tecnologia 454: una finestra sulla biodiversità microbica, Milano, 21 Ottobre 2013
26. European Human Genetics Conference 2014, Milano, 31Maggio – 3 Giugno 2014
27. Ion World Tour 2014 in Bologna, Bologna, 30 Settembre -1 Ottobre 2014
28. "Cellule staminali e Medicina Rigenerativa, Modena, 7 Ottobre 2014
29. "Giornata mondiale delle malattie rare- Formazione, informazione ed ascolto in Emilia Romagna – sesta edizione", Bologna, 28 Febbraio 2015
30. European Human Genetics Conference 2015, Glasgow (UK), 6 – 9 Giugno 2015
31. Ion World Tour 2015 in Florence, Firenze, 8 Ottobre 2015
32. Ion World Clinical Solution 2016, Milano, 6 Ottobre 2016
33. Minicorso pratico sulla interpretazione delle varianti nei geni BRCA, Milano, 3 Febbraio 2017
34. Next Generation Sequencing. Dal laboratorio alla clinica: un percorso ad ostacoli?, Milano, 4 Maggio 2017
35. Next Generation Sequencing e BRCA1/2 su tessuto tumorale. Attualità e controversie, Milano, 10 Aprile 2018
36. Ion Torrent Oncomine Italian User Meeting, Bologna, 26 Settembre 2018
37. Forum in oncologia senologica, la sottile linea tra clinica e biologia, Modena, 4-5 Aprile 2019
38. Riunione congiunta dei GDL SIGU genetica molecolare, genetica oncologica e farmacogenomica, "corso SIGU l'evoluzione del test BRCA: linee di indirizzo comuni per scenari che cambiano", Modena, 24 maggio 2019

**Partecipazione in qualità di
RELATORE a congressi e
convegni nazionali ed
internazionali**

1. "Novità biologiche e cliniche nel mieloma multiplo", con un intervento dal titolo "Applicazioni della tecnologia nei DNA microarrays", Centro congressi Lingotto, Torino, 2 Ottobre 2003.
2. Incontro Annuale dell'Associazione Italiana di Colture Cellulari, "Biologia Postgenomica", con un intervento dal titolo "Gene expression profiling of normal and malignant CD34-derived megakaryocytic cells", Aula della Facoltà di Medicina e Chirurgia, Università degli Studi di Modena e Reggio Emilia, 2 Dicembre 2003.
3. A.B.E.R. "APPLICAZIONI DIAGNOSTICHE DELLE TECNICHE DI BIOLOGIA MOLECOLARE: STATO DELL'ARTE E PROSPETTIVE FUTURE", con un intervento dal titolo "Estrazione degli acidi nucleici: procedure automatizzate standardizzate e garanzie dei risultati in biologia molecolare", Sala Michelangelo di M.B. CENTER, Modena, 10 Giugno 2006.
4. 14th Human Genome Meeting 2010- "Next Generation Genomics and Medicine", Workshop "Epigenetics and microRNA-mediated gene regulation", con un intervento dal titolo "Integrated analysis of microRNA and mRNA expression profiles in physiological myelopoiesis: role of hsa-miR-299-5p in CD34+ progenitor cells commitment", Le Corum Montpellier, Francia, 21 Maggio 2010.
5. Riunione del progetto AGIMM, "An integrated platform for molecular studies and clinical trials in chronic myeloproliferative neoplasms", con un intervento dal titolo "Screening mutazionale di 1900 cancer related geni/microRNAs in MPN", Aula Goldoniana del Collegio Ghislieri, Pavia, 16 Febbraio 2012.
6. Riunione del progetto AGIMM "An integrated platform for molecular studies and clinical trials in chronic myeloproliferative neoplasms", con un intervento dal titolo "Identificazione di mutazioni ricorrenti nelle neoplasie mieloproliferative mediante Targeted Cancer Exome Sequencing", Torre d'Isola (Pavia), 27 Novembre 2013.
7. Riunione congiunta dei GDL SIGU genetica molecolare, genetica oncologica e farmacogenomica, "Corso SIGU l'evoluzione del test BRCA: linee di indirizzo comuni per scenari che cambiano", con un intervento dal titolo "Test somatico BRCA: accuratezza, controlli di qualità, criticità, validazioni", Modena, 24 maggio 2019.

**Partecipazione a tesi di Laurea in
qualità di Relatore o Correlatore**

1. Tesi di Laurea di Alessia Mira, dal titolo "Studio del meccanismo d'azione di WEB-2170 e del sinergismo ATRA/WEB-2170 in cellule della linea leucemica umana NB4 via gene expression profiling". Università degli Studi di Modena e Reggio Emilia, Anno Accademico 2003-2004
2. Tesi di Laurea di Francesco Ferrari, dal titolo "Studio del profilo di espressione genica di melanociti umani normali da donatori e da pazienti con melanoma sporadico", Università degli Studi di Modena e Reggio Emilia, Anno Accademico 2003-2004
3. Tesi di Laurea magistrale di Valentina Artusi, dal titolo "Ruolo dell'Hsa-miR-299-5p nel commitment dei progenitori mieloidi". Università degli Studi di Roma La Sapienza, Anno Accademico 2009-2010
4. Tesi di Laurea di Giulia Polacchini, dal titolo "La metodica ELISA nella ricerca di glutine negli alimenti", Università degli Studi di Modena e Reggio Emilia, Anno Accademico 2011-2012
5. Tesi di Laurea magistrale di Lavinia Beatrice Giva, dal titolo "Identificazione di mutazioni ricorrenti nelle neoplasie mieloproliferative mediante targeted cancer exome sequencing", Università degli Studi di Modena e Reggio Emilia, Anno Accademico 2012-2013
6. Tesi di Master Degree di Jacopo Pagani, dal titolo "Setup of a next generation sequencing gene panel for molecular diagnosis of Epidermolysis Bullosa", Università degli Studi di Modena e Reggio Emilia, Anno Accademico 2013-2014

1. Smargiassi A, Bertacchini J, Checchi M, Poti F, **Tenedini E**, Montosi G, Magarò MS, Amore E, Cavani F, Ferretti M, Giulia G, Maurel DB, Palumbo C. WISP-2 expression induced by Teriparatide treatment affects in vitro osteoblast differentiation and improves in vivo osteogenesis. *Mol Cell Endocrinol*. 2020 May 18;513:110817. doi:10.1016/j.mce.2020.110817. Epub ahead of print. PMID: 32439416.
2. Toss A, Molinaro E, Venturelli M, Domati F, Marcheselli L, Piana S, Barbieri E, Grandi G, Piombino C, Marchi I, **Tenedini E**, Tagliafico E, Tazzioli G, Cortesi L. BRCA Detection Rate in an Italian Cohort of Luminal Early-Onset and Triple-Negative Breast Cancer Patients without Family History: When Biology Overcomes Genealogy. *Cancers (Basel)*. 2020 May 15;12(5):E1252. doi: 10.3390/cancers12051252. PMID: 32429297.
3. De Simone G, Mazza EMC, Cassotta A, Davydov AN, Kuka M, Zanon V, De Paoli F, Scamardella E, Metsger M, Roberto A, Pilipow K, Colombo FS, **Tenedini E**, Tagliafico E, Gattinoni L, Mavilio D, Peano C, Price DA, Singh SP, Farber JM, Serra V, Cucca F, Ferrari F, Orrù V, Fiorillo E, Iannaccone M, Chudakov DM, Sallusto F, Lugli E. CXCR3 Identifies Human Naive CD8⁺ T Cells with Enhanced Effector Differentiation Potential. *J Immunol*. 2019 Dec 15;203(12):3179-3189. doi: 10.4049/jimmunol.1901072. Epub 2019 Nov 18. PMID: 31740485; PMCID: PMC6900484.
4. Barravecchia I, Mariotti S, Pucci A, Sceba F, De Cesari C, Bicciato S, Tagliafico E, **Tenedini E**, Vindigni C, Cecchini M, Berti G, Vitiello M, Polisenio L, Mazzanti CM, Angeloni D. MICAL2 is expressed in cancer associated neo-angiogenic capillary endothelia and it is required for endothelial cell viability, motility and VEGF response. *Biochim Biophys Acta Mol Basis Dis*. 2019 Sep 1;1865(9):2111-2124. doi: 10.1016/j.bbdis.2019.04.008. Epub 2019 Apr 18. PubMed PMID: 31004710.
5. Sacchi S, **Tenedini E**, Tondelli D, Parenti S, Tagliasacchi D, Xella S, Marsella T, Tagliafico E, La Marca A. Gene expression profiles of human granulosa cells treated with bioequivalent doses of corifollitropin alfa (CFA) or recombinant human follicle-stimulating hormone (recFSH). *Gynecol Endocrinol*. 2019 Jul;35(7):623-627. doi: 10.1080/09513590.2019.1576611. Epub 2019 Feb 20. PubMed PMID: 30784329.
6. Toss A, Venturelli M, Molinaro E, Pipitone S, Barbieri E, Marchi I, **Tenedini E**, Artuso L, Castellano S, Marino M, Tagliafico E, Razzaboni E, De Matteis E, Cascinu S, Cortesi L. Hereditary Pancreatic Cancer: A Retrospective Single-Center Study of 5143 Italian Families with History of BRCA-Related Malignancies. *Cancers (Basel)*. 2019 Feb 7;11(2). pii: E193. doi: 10.3390/cancers11020193. PubMed PMID: 30736435; PubMed Central PMCID: PMC6406586.
7. Tagliafico E, Bernardis I, Grasso M, D'Apice MR, Lapucci C, Botta A, Giachino DF, Marinelli M, Primignani P, Russo S, Sani I, Seia M, Fini S, Rimessi P, **Tenedini E**, Ravani A, Genuardi M, Ferlini A; Molecular Genetics Working Group of the Italian Society of Human Genetics, SIGU. Workload measurement for molecular genetics laboratory: A survey study. *PLoS One*. 2018 Nov 27;13(11):e0206855. doi: 10.1371/journal.pone.0206855. eCollection 2018. PubMed PMID: 30481188; PubMed Central PMCID: PMC6258511.
8. Toss A, Piacentini F, Cortesi L, Artuso L, Bernardis I, Parenti S, **Tenedini E**, Ficarra G, Maiorana A, Iannone A, Omarini C, Moschetti L, Cristofanilli M, Federico M, Tagliafico E. Genomic alterations at the basis of treatment resistance in metastatic breast cancer: clinical applications. *Oncotarget*. 2018 Aug 3;9(60):31606-31619. doi: 10.18632/oncotarget.25810. eCollection 2018 Aug 3. PubMed PMID: 30167082; PubMed Central PMCID: PMC6114971.
9. Roberto A, Di Vito C, Zaghi E, Mazza EMC, Capucetti A, Calvi M, Tentorio P, Zanon V, Sarina B, Mariotti J, Bramanti S, **Tenedini E**, Tagliafico E, Bicciato S, Santoro A, Roederer M, Marcenaro E, Castagna L, Lugli E, Mavilio D. The early expansion of anergic NKG2A(pos)/CD56(dim)/CD16(neg) natural killer represents a therapeutic target in haploidentical hematopoietic stem cell transplantation. *Haematologica*. 2018 Aug;103(8):1390-1402. doi: 10.3324/haematol.2017.186619. Epub 2018 Apr 26. PubMed PMID: 29700172; PubMed Central PMCID: PMC6068034.
10. Laurenzana A, Chillà A, Luciani C, Peppicelli S, Biagioni A, Bianchini F, **Tenedini E**, Torre E, Mocali A, Calorini L, Margheri F, Fibbi G, Del Rosso M. uPA/uPAR system

- activation drives a glycolytic phenotype in melanoma cells. *Int J Cancer*. 2017 Jun 2. doi: 10.1002/ijc.30817. [Epub ahead of print] PubMed PMID: 28577299.
11. Gioia R, Tonelli F, Ceppi I, Biggiogera M, Leikin S, Fisher S, **Tenedini E**, Yorgan TA, Schinke T, Tian K, Schwartz JM, Forte F, Wagener R, Villani S, Rossi A, Forlino A. The chaperone activity of 4PBA ameliorates the skeletal phenotype of Chihuahua, a zebrafish model for dominant osteogenesis imperfecta. *Hum Mol Genet*. 2017 May 5. doi: 10.1093/hmg/ddx171. [Epub ahead of print] PubMed PMID: 28475764.
 12. Bernardis I, Chiesi L, **Tenedini E**, Artuso L, Percesepe A, Artusi V, Simone ML, Manfredini R, Camparini M, Rinaldi C, Ciardella A, Graziano C, Balducci N, Tranchina A, Cavallini GM, Pietrangelo A, Marigo V, Tagliafico E. Unravelling the Complexity of Inherited Retinal Dystrophies Molecular Testing: Added Value of Targeted Next-Generation Sequencing. *Biomed Res Int*. 2016;2016:6341870. doi: 10.1155/2016/6341870. Epub 2016 Dec 29. PubMed PMID: 28127548; PubMed Central PMCID: PMC5227126.
 13. Capri M, Olivieri F, Lanzarini C, Remondini D, Borelli V, Lazzarini R, Graciotti L, Albertini MC, Bellavista E, Santoro A, Biondi F, Tagliafico E, **Tenedini E**, Morsiani C, Pizza G, Vasuri F, D'Errico A, Dazzi A, Pellegrini S, Magenta A, D'Agostino M, Capogrossi MC, Cescon M, Rippo MR, Procopio AD, Franceschi C, Grazi GL. Identification of miR-31-5p, miR-141-3p, miR-200c-3p, and GLT1 as human liver aging markers sensitive to donor-recipient age-mismatch in transplants. *Aging Cell*. 2017 Apr;16(2):262-272. doi: 10.1111/acer.12549. Epub 2016 Dec 20. PubMed PMID: 27995756; PubMed Central PMCID: PMC5334540.
 14. Sacchetti B, Funari A, Remoli C, Giannicola G, Kogler G, Liedtke S, Cossu G, Serafini M, Sampaolesi M, Tagliafico E, **Tenedini E**, Saggio I, Robey PG, Riminucci M, Bianco P. No Identical "Mesenchymal Stem Cells" at Different Times and Sites: Human Committed Progenitors of Distinct Origin and Differentiation Potential Are Incorporated as Adventitial Cells in Microvessels. *Stem Cell Reports*. 2016 Jun 14;6(6):897-913. doi: 10.1016/j.stemcr.2016.05.011. PubMed PMID: 27304917; PubMed Central PMCID: PMC4912436.
 15. **Tenedini E**, Artuso L, Bernardis I, Artusi V, Percesepe A, De Rosa L, Contin R, Manfredini R, Pellacani G, Giannetti A, Pagani J, De Luca M, Tagliafico E. Amplicon-based next-generation sequencing: an effective approach for the molecular diagnosis of epidermolysis bullosa. *Br J Dermatol*. 2015 Sep;173(3):731-8.
 16. Pennucci V, Zini R, Norfo R, Guglielmelli P, Bianchi E, Salati S, Sacchi G, Prudente Z, **Tenedini E**, Ruberti S, Paoli C, Fanelli T, Mannarelli C, Tagliafico E, Ferrari S, Vannucchi AM, Manfredini R; Associazione Italiana per la Ricerca sul Cancro Gruppo Italiano Malattie Mieloproliferative (AGIMM) Investigators. Abnormal expression patterns of WT1-as, MEG3 and ANRIL long non-coding RNAs in CD34+ cells from patients with primary myelofibrosis and their clinical correlations. *Leuk Lymphoma*. 2015 Feb;56(2):492-6.
 17. Guglielmelli P, Biamonte F, Rotunno G, Artusi V, Artuso L, Bernardis I, **Tenedini E**, Pieri L, Paoli C, Mannarelli C, Fjerza R, Rumi E, Stalbovska V, Squires M, Cazzola M, Manfredini R, Harrison C, Tagliafico E, Vannucchi AM; COMFORT-II Investigators; Associazione Italiana per la Ricerca sul Cancro Gruppo Italiano Malattie Mieloproliferative (AGIMM) Investigators. Impact of mutational status on outcomes in myelofibrosis patients treated with ruxolitinib in the COMFORT-II study. *Blood*. 2014 Apr 3;123(14):2157-60.
 18. Pasquariello M, Barabaschi D, Himmelbach A, Steuernagel B, Ariyadasa R, Stein N, Gandolfi F, **Tenedini E**, Bernardis I, Tagliafico E, Pecchioni N, Francia E. The barley Frost resistance-H2 locus. *Funct Integr Genomics*. 2014 Mar;14(1):85-100.
 19. **Tenedini E**, Bernardis I, Artusi V, Artuso L, Roncaglia E, Guglielmelli P, Pieri L, Bogani C, Biamonte F, Rotunno G, Mannarelli C, Bianchi E, Pancrazzi A, Fanelli T, Malagoli Tagliazucchi G, Ferrari S, Manfredini R, Vannucchi AM, Tagliafico E; AGIMM investigators. Targeted cancer exome sequencing reveals recurrent mutations in myeloproliferative neoplasms. *Leukemia*. 2014 May;28(5):1052-9. doi: 10.1038/leu.2013.302.
 20. Matarrese P, Tinari A, Ascione B, Gambardella L, Remondini D, Salvioli S, **Tenedini E**, Tagliafico E, Franceschi C, Malorni W. Survival features of EBV-stabilized cells from centenarians: morpho-functional and transcriptomic analyses. *Age (Dordr)*. 2012

Dec;34(6):1341-59.

21. Cheli S, François S, Bodega B, Ferrari F, **Tenedini E**, Roncaglia E, Ferrari S, Ginelli E, Meneveri R. Expression Profiling of FSHD-1 and FSHD-2 Cells during Myogenic Differentiation Evidences Common and Distinctive Gene Dysregulation Patterns. *PLoS One*. 2011;6(6):e20966. Epub 2011 Jun 13.
22. Bianchi E, Zini R, Salati S, **Tenedini E**, Norfo R, Tagliafico E, Manfredini R, Ferrari S. c-Myb supports erythropoiesis through the transactivation of KLF1 and LMO2 expression. *Blood*. 2010 Aug 4; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 0006-4971
23. **Tenedini E**, Roncaglia E, Ferrari F, Orlandi C, Bianchi E, Bicciato S, Tagliafico E and Ferrari S. Integrated analysis of microRNA and mRNA expression profiles in physiological myelopoiesis: role of hsa-mir-299-5p in CD34+ progenitor cells commitment. *Cell Death and Disease* 2010 Feb 18; 1:1-6; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 2041-4889
24. Salati S, Bianchi E, Zini R, **Tenedini E**, Quaglino D, Manfredini R, Ferrari S. Eosinophils, but not neutrophils, exhibit an efficient DNA repair machinery and high nucleolar activity. *Haematologica*. 2007 Oct;92(10):1311-8; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 0390-6078
25. Biressi S, Tagliafico E, Lamorte G, Monteverde S, **Tenedini E**, Roncaglia E, Ferrari S, Ferrari S, Cusella-De Angelis MG, Tajbakhsh S, Cossu G. Intrinsic phenotypic diversity of embryonic and fetal myoblasts is revealed by genome-wide gene expression analysis on purified cells. *Developmental Biology*. 2007 Apr 15;304(2):633-51; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 0012-1606
26. Magnoni C, **Tenedini E**, Ferrari F, Benassi L, Bernardi C, Gualdi G, Bertazzoni G, Roncaglia E, Fantoni L, Manfredini R, Bicciato S, Ferrari S, Giannetti A, Tagliafico E. Transcriptional profiles in melanocytes from clinically unaffected skin distinguish the neoplastic growth pattern in patients with melanoma. *British Journal of Dermatology*. 2007 Jan;156(1):62-71; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 0007-0963
27. Testoni B, Borrelli S, **Tenedini E**, Alotto D, Castagnoli C, Piccolo S, Tagliafico E, Ferrari S, Viganò MA, Mantovani R. Identification of new p63 targets in human keratinocytes. *Cell Cycle*. 2006 Dec;5(23):2805-11; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 1538-4101
28. Zanocco-Marani T, Vignudelli T, Gemelli C, Pirondi S, Testa A, Montanari M, Parenti S, **Tenedini E**, Grande A, Ferrari S. Tfe3 expression is closely associated to macrophage terminal differentiation of human hematopoietic myeloid precursors. *Experimental Cell Research*. 2006 Dec 10;312(20):4079-89; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 0014-4827
29. Casorelli I°, **Tenedini E°**, Tagliafico E, Blasi MF, Giuliani A, Crescenzi M, Pelosi E, Testa U, Peschle C, Mele L, Diverio D, Breccia M, Lo-Coco F, Ferrari S, Bignami M. Identification of a molecular signature for leukemic promyelocytes and their normal counterparts: Focus on DNA repair genes. *Leukemia*. 2006 Nov;20(11):1978-88; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 0887-6924 **°Questi autori hanno contribuito in egual misura al lavoro**
30. Tagliafico E, **Tenedini E**, Manfredini R, Grande A, Ferrari F, Roncaglia E, Bicciato S, Zini R, Salati S, Bianchi E, Gemelli C, Montanari M, Vignudelli T, Zanocco-Marani T, Parenti S, Paolucci P, Martinelli G, Piccaluga PP, Baccarani M, Specchia G, Torelli U, Ferrari S. Identification of a molecular signature predictive of sensitivity to differentiation induction in acute myeloid leukemia. *Leukemia*. 2006 Oct;20(10):1751-8; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 0887-6924
31. Gemelli C, Montanari M, **Tenedini E**, Zanocco Marani T, Vignudelli T, Siena M, Zini R, Salati S, Tagliafico E, Manfredini R, Grande A, Ferrari S. Virally mediated MafB transduction induces the monocyte commitment of human CD34+hematopoietic stem/progenitor cells. *Cell Death and Differentiation*. 2006 Oct;13(10):1686-96; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 1350-9047
32. Colombo E, Giannelli SG, Galli R, Tagliafico E, Foroni C, **Tenedini E**, Ferrari S, Ferrari S, Corte G, Vescovi A, Cossu G, Broccoli V. Embryonic stem-derived versus somatic neural stem cells: a comparative analysis of their developmental potential and molecular

phenotype. Stem Cells. 2006 Apr;24(4):825-34; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 1066-5099

33. Montanari M, Gemelli C, **Tenedini E**, Zanicco Marani T, Vignudelli T, Siena M, Zini R, Salati S, Chiossi G, Tagliafico E, Manfredini R, Grande A, Ferrari S. Correlation between differentiation plasticity and mRNA expression profiling of CD34+-derived CD14- and CD14+ human normal myeloid precursors. Cell Death and Differentiation. 2005 Dec;12(12):1588-600; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 1350-9047
34. Manfredini R, Zini R, Salati S, Siena M, **Tenedini E**, Tagliafico E, Montanari M, Zanicco-Marani T, Gemelli C, Vignudelli T, Grande A, Fogli M, Rossi L, Fagioli ME, Catani L, Lemoli RM, Ferrari S. The kinetic status of hematopoietic stem cells subpopulations underlies a differential expression of genes involved in self-renewal, commitment, and engraftment. Stem Cells. 2005 Apr;23(4):496-506; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 1066-5099
35. **Tenedini E**, Fagioli ME, Vianelli N, Tazzari PL, Ricci F, Tagliafico E, Ricci P, Gugliotta L, Martinelli G, Tura S, Baccarani M, Ferrari S, Catani L. Gene expression profiling of normal and malignant CD34-derived megakaryocytic cells. Blood. 2004 Nov 15;104(10):3126-35; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 0006-4971
36. Manfredini R, **Tenedini E**, Siena M, Tagliafico E, Montanari M, Grande A, Zanicco-Marani T, Poligani C, Zini R, Gemelli C, Bergamaschi A, Vignudelli T, De Rienzo F, De Benedetti PG, Menziani MC, Ferrari S. Development of an IL-6 antagonist peptide that induces apoptosis in 7TD1 cells. Peptides. 2003 Aug;24(8):1207-20; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 0196-9781
37. Tagliafico E, Siena M, Zanicco-Marani T, Manfredini R, **Tenedini E**, Montanari M, Grande A, Ferrari S. Requirement of the coiled-coil domains of p92(c-Fes) for nuclear localization in myeloid cells upon induction of differentiation. Oncogene. 2003 Mar 20;22(11):1712-23; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 0950-9232
38. Tagliafico E, **Tenedini E**, Bergamaschi A, Manfredini R, Percudani R, Siena M, Zanicco-Marani T, Grande A, Montanari M, Gemelli C, Torelli U, Ferrari S. Gene expression profile of Vitamin D3 treated HL60 cells shows an incomplete molecular phenotypic conversion to monocytes. Cell Death and Differentiation. 2002 Nov;9(11):1185-95; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 1350-9047
39. Grande A, Montanari M, Tagliafico E, Manfredini R, Zanicco Marani T, Siena M, **Tenedini E**, Gallinelli A, Ferrari S. Physiological levels of 1alpha, 25 dihydroxyvitamin D3 induce the monocytic commitment of CD34+ hematopoietic progenitors. Journal of Leukocyte Biology. 2002 Apr;71(4):641-51; Codice ISSN (International Standard Serial Number) della rivista: 0741-5400.

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali".

Luogo, Data e Firma

Modena, 16 Giugno 2020

